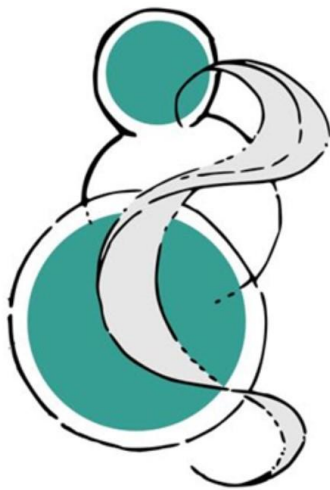


**CONVOCATORIA PARA LA
PRESENTACIÓN DE
RESÚMENES**

ABRIL 2019
24 al 27
CORRIENTES, ARGENTINA



**VIIICONGRESO
ARGENTINO DE
PARASITOLOGÍA**

infinitas dimensiones



**Asociación
Parasitológica
Argentina**

**Universidad
Nacional
del Nordeste**



La Comisión Organizadora del VIII Congreso Argentino de Parasitología ha abierto la convocatoria para presentar resúmenes de trabajos de investigación.

Al menos el primer autor de cada RESUMEN deberá estar inscripto al momento de enviarlo. Se deberá enviar el Resumen junto al comprobante de pago de inscripción para que se considere formalmente recibido y comience el proceso de evaluación.

La inscripción dará derecho al envío y exposición de un máximo de 2 (dos) trabajos libres como primer autor. Cada autor podrá realizar solo una presentación en modalidad oral como primer autor (excepto que sea el único autor de los dos trabajos).

Los autores deberán indicar la modalidad (sesión oral o poster) y el área temática preferida para cada presentación. La Comisión Organizadora se reserva el derecho de cambiar la categoría seleccionada con el objetivo de optimizar la distribución de temas del programa científico. Se notificará con antelación a cada autor la modalidad de presentación y el área temática final asignada para cada resumen.

Los resúmenes serán publicados en una edición especial de la Revista Argentina de Parasitología, la cual estará disponible en formato digital.

Los resúmenes serán evaluados por pares designados por la Comisión Organizadora del Congreso. En caso de requerir modificaciones, los autores podrán enviar un resumen corregido para su re-evaluación. Una vez que el trabajo ha sido aceptado, no podrá ser modificado.

INSTRUCCIONES

Solamente se admiten los siguientes formatos: *.doc o *.docx. El resumen podrá ser redactado en español, portugués o inglés, en hoja A4 en sentido vertical, dejando 2,5 cm de márgenes y con párrafo justificado a ambos lados con fuente Arial 10, interlineado de 1,5.

Dirección de envío: viicap2019@gmail.com

Nombre del archivo a enviar: debe hacer referencia al apellido del primer autor (inicial en mayúscula), sin espacios, seguido del DNI (sin puntos ni comas). Ejemplo: Garcia12678987.doc.

Si envía más de un resumen: Garcia12678987**A**.doc, Garcia12678987**B**.doc.

Contenido del resumen:

Título: Título completo centrado, en letra mayúscula y negrita. La extensión del título no deberá ser mayor a 150 caracteres. Los nombres científicos deben escribirse en letra cursiva (itálica).

Autores: Dejando un renglón en blanco a continuación del título, escriba en negrita el apellido del primer autor y separado por una coma, el primer nombre completo e inicial del segundo. Separe los nombres de los diferentes autores con punto y coma. Deberá subrayarse el autor expositor. Después del nombre, sin dejar espacio, colocar un número como superíndice para referenciar lugar de trabajo; si los autores pertenecen a diferentes instituciones, diferenciarlas con distintos números.

Filiación: En el renglón siguiente al nombre de los autores, sin dejar espacio, y sin usar negrita, escriba el nombre completo de la institución y dirección postal del lugar de trabajo de cada autor, precedido por la referencia numérica correspondiente como superíndice. Use comas para

separar diferentes afiliaciones. Por ultimo indicar el correo electrónico del autor de contacto para el envío de correcciones.

Resumen: A continuación del lugar de trabajo, dejando un renglón en blanco, escriba el texto del resumen. El cuerpo del Resumen no debe superar los 2000 caracteres incluyendo espacios. La estructura comprenderá las siguientes secciones: introducción, objetivos, materiales y métodos, resultados y conclusiones/discusión (pero sin indicar las secciones expresamente). No debe incluir tablas, gráficos o figuras, ni referencias bibliográficas.

Palabras claves: Ingresar hasta 5 palabras claves.

Financiamiento: (si corresponde): A continuación del Resumen, sin dejar renglón intermedio, colocar el tipo de proyecto (PICTO, PGI, etc.), separado por espacio el código que lo identifica y separada por coma la institución/es que proveyó los fondos (CONICET, SGCyT u otras agencias de financiamiento)

EJEMPLO DE RESUMEN

ECHINOCOCCOSIS NEOTROPICAL EN ARGENTINA: ANÁLISIS MORFOLÓGICOS Y MOLECULARES

Arrabal, Juan P.^{1, 2}; Pérez, Matías³; Costa, Sebastián^{1, 2}; Benito Santamaría, Silvia²; Molina, Nilso²; Rosenzvit, Mara³; Kamenetzky, Laura³.

¹ Instituto Nacional de Medicina tropical (INMeT), Ministerio de Salud de la Nación. ² Centro de Investigaciones del Bosque Atlántico (CelBA). ³ Instituto de Investigaciones en Microbiología y Parasitología Médica (IMPAM), Facultad de Medicina, UBA, CONICET. E-mail: jparabal.vet@gmail.com

Este trabajo profundiza el estudio del ciclo silvestre de la echinococcosis neotropical presente en la Argentina, previamente descrita por nuestro grupo de trabajo. Desde el 2015 hasta el presente se analizaron animales silvestres atropellados en las rutas del norte de Misiones, identificando los endoparásitos presentes así como las especies de hospedadores silvestres. Para la determinación del género *Echinococcus* se realizaron análisis morfométricos de adultos y metacestodes. Para la determinación de la especie se amplificaron y secuenciaron 3 marcadores moleculares mitocondriales, *cox1*, *nad1* y *atp6*. Se necropsiaron 39 mamíferos silvestres de 15 especies diferentes: *Puma concolor* (3), *Leopardus pardalis* (2), *Leopardus tigrinus* (3), *Puma yagouaroundi* (1), *Panthera onca* (1), *Nasua nasua* (2), *Eira barbara* (1), *Didelphis albiventris* (2), *Mazama americana* (4), *Dasyprocta asarae* (7), *Cavia aperea* (2), *Sciurus aestuans* (4), *Lepus europeus* (1), *Sylvilagus brasiliensis* (5), *Rattus rattus* (1). La especie neotropical *Echinococcus oligarthrus* fue identificada en agutí (5/7), puma (3/3) y ocelote (2/2) mediante la integración de análisis morfológicos y genéticos. Al inicio de este trabajo solo había 4 secuencias de ADN mitocondrial de *E. oligarthrus* depositadas en la base de datos GenBank. Mediante el análisis exhaustivo de las secuencias de ADN obtenidas pudo determinarse la presencia de 2 poblaciones de *E. oligarthrus* genéticamente distantes tan variables entre sí como lo son los genotipos que pertenecen a *E. granulosis* sensu stricto. Gracias a nuestro aporte actualmente las secuencias reportadas ascienden a 18. Estos resultados amplían el conocimiento sobre la especie y el ciclo natural de *E. oligarthrus*, sirviendo como base para determinar el riesgo de infección para las comunidades rurales y de pueblos originarios que habitan en la interfase con la selva y que de formas directas e indirectas están en contacto con los hospedadores silvestres.

PALABRAS CLAVE: *Echinococcus oligarthrus*, fauna silvestre, echinococcosis neotropical, Noreste Argentino, hidatidosis.

ENVÍO DE RESÚMENES
del 15 de julio de 2018 al 31 de enero de 2019

Los resúmenes enviados durante el período de inscripción temprana participarán del sorteo de una excursión para dos personas a los Esteros del Iberá